

Programme de matinée des stagiaires - 23 juin 2023

Format : 10 min de présentation + 5 min de questions/discussion

9h-9h15 : **Joséphine Martin**, *Méthodes à noyau pour l'analyse exploratoire de graphes*

Encadrants : Nathalie Vialaneix et Marie-Laure Martin (IPS2)

9h15-9h30 : **Alexis Mergez**, *Deep learning for genome assembly error correction*

Encadrants : Raphaël Mourad et Matthias Zytnicki

9h30-9h45 : **Aurélien Thiriet** (CIRAD de Montpellier), *Comparaison d'approximations pour l'estimation dans des modèles mixtes généralisés pour données catégorielles* [\[distanciel\]](#)

Encadrants : Nathalie Peyrard, Sandra Plancade et Jean-Baptiste Durand (CIRAD)

9h45-10h : **Hajar Bouamout**, *Alignement de lectures sur les pangénomes*

Encadrants : Benjamin Linard et Matthias Zytnicki

10h-10h15 : **Hassan Houmed**, *Deep learning for sRNA classification*

Encadrants : Raphaël Mourad et Christine Gaspin

10h15-10h30 : **Nina Marthe** (Montpellier), *Transfert d'annotations dans des graphes de pangénome* [\[distanciel\]](#)

Encadrants : François Sabot (IRD Diade) et Matthias Zytnicki

10h30-10h45 : pause

10h45-11h : **Gwendaëlle Cardenas**, *Analyse différentielle de données Hi-C avec le package treediff*

Encadrants : Nathalie Vialaneix et Sylvain Foissac (GenPhySE)

11h-11h15 : **Prasanna Maddila**, *Apprentissage par renforcement pour le calcul d'équilibres de Nash dans les jeux stochastiques. Application au calcul/recalcul d'objectifs de haut niveau dans les jeux de conservation stochastiques*

Encadrants : Meritxell Vinyals et Régis Sabbadin

11h15-11h30 : **Annabelle Bru**, *Comparaison d'outils pour l'analyse de modifications d'ARN non codant à partir de données nanonopre «ARN direct»*

Encadrants : Nathalie Vialaneix et Christine Gaspin

11h30-11h45 : **Siegfried Dubois** (Rennes), *Graphes de variations pangénomiques : structures et outils* [\[distanciel\]](#)

Encadrants : Claire Lemaitre (Inria Genscale), Thomas Faraut (GenPhySE) et Matthias Zytnicki

11h45-12h : **Alexandre Monteil**, *Boîte à outils pour le contrôle de la structure des fichiers tabulaires*

Encadrant : Patrick Chabrier

12h-12h15 : **Hoang Giang Pham**, *Conception d'un pipeline bioinformatique d'analyse de données de petits ARN*

Encadrant : Matthias Zytnicki